



Hôpitaux
Universitaires
Genève



DIAGNOSTIQUE / Service de Pathologie Clinique

Centre Médical Universitaire
1 rue Michel Servet - 1211 Genève 14

Laboratoire de pathologie moléculaire et génomique

PATH-MOL

<http://www.hug-ge.ch/feuilles-de-demande>

Médecin Chef : Prof. Laura Rubbia-Brandt
Médecin Responsable : Dre A.-L. Rougemont (022 37) 28 568
Responsable technique : Margaret Berczy (022 37) 24 942
Bâtiment E-F - 5^{ème} étage - Local : E05.2949.a

Nom :

Prénom :

Date de naissance :

N° DIAMIC :

Bloc :

Prescripteur (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax) :

Médecins en copie (Nom/Prénom - Rue/N° - Localité, No postal - Tel/Fax): *Le laboratoire demandeur/prescripteur a obtenu l'accord du prescripteur/patient pour transmettre des copies à d'autres médecins que le médecin prescripteur :*

Matériel : Biopsie fixée Biopsie fraîche/congelée 2^o intention Sang Moelle

Diagnostic/ Renseignements cliniques :

Cette liste comprend l'ensemble des analyses du Pathologie Moléculaire réalisées par le Service de Pathologie Clinique.

Les pathologistes se réservent le droit d'évaluer la pertinence de la demande et de la modifier en fonction du diagnostic histologique ou présomptif. De plus, le choix de la technique la plus adéquate incombe aux biologistes du laboratoire, et sera fonction de la qualité/quantité du matériel notamment.

Les analyses en grisé sont réservées à la prescription par les pathologistes.

Pour toute demande concernant du matériel provenant d'un autre laboratoire, veuillez nous faire parvenir un bloc de paraffine représentatif, accompagné de la lame HE correspondante et du rapport histologique. Le matériel sera restitué à l'issue de l'analyse.

PANEL NGS	Inclus dans le rapport	+ Autres	TARMED
Panel Hot Spot 50 gènes*:			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Adénocarcinome du côlon	KRAS, NRAS, BRAF		
<input type="checkbox"/> Carcinome du poumon	EGFR, BRAF, KRAS, HER2	ALK, ROS	
<input type="checkbox"/> Mélanome	BRAF, NRAS, KIT		
<input type="checkbox"/> GIST	KIT, PDGFRa		
<input type="checkbox"/> Gliome	IDH1, IDH2	MGMT, TERT, 1p/19q,	
<input type="checkbox"/> Autre (screening)			
<input type="checkbox"/> Panel BRCA1/2 somatique			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Panel Myéloïde ** (y compris mutation BCR-ABL)			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Screening 50 gènes			5x 37.0570
<input type="checkbox"/> Panel CCP, screening 400 gènes ***			7x 37.0570
<input type="checkbox"/> Panel Fusion			5x 37.0570

Liste des gènes de panels sous :

* <https://tools.thermofisher.com/content/sfs/brochures/lon-AmpliSeq-Cancer-Hotspot-Panel-Flyer.pdf>

** <http://www.illumina.com/content/dam/illumina-marketing/documents/products/datasheets/datasheet-trusight-myeloid.pdf>

*** https://tools.thermofisher.com/content/sfs/brochures/CO25560_ion_AmpliSeq_Comprehensive_Cancer_Panel_Gene_List_final9062012.pdf

VARIATION DU NOMBRE DE COPIES	TARMED
<input type="checkbox"/> Oncoscan	4x 37.0530

LYMPHOMES	TARMED
Clonalité (PCR) : <input type="checkbox"/> Immunoglobulines (IgH)	3x 37.0540
<input type="checkbox"/> Récepteurs des cellules T (TCR)	3x 37.0540
Translocation (FISH): <input type="checkbox"/> <i>BCL1 (CCND1)</i> <input type="checkbox"/> <i>BCL2</i> <input type="checkbox"/> <i>BCL6</i> <input type="checkbox"/> <i>CMYC</i> <input type="checkbox"/> <i>MALT1</i> <input type="checkbox"/> <i>IgH</i>	1x 37.0530

LLC par FISH / Oncoscan
<input type="checkbox"/> Marqueurs pronostiques (perte ATM, TP53, 13q14, et trisomie 12)

SARCOMES / TUMEURS DES TISSUS MOUS	TARMED
FISH : <input type="checkbox"/> <i>EWSR1</i> <input type="checkbox"/> <i>FOXO1(FKHR)</i> <input type="checkbox"/> <i>SS18</i> <input type="checkbox"/> <i>DDIT3</i> <input type="checkbox"/> <i>FUS</i> <input type="checkbox"/> <i>USP6</i> <input type="checkbox"/> <i>TFE3</i> <input type="checkbox"/> <i>ETV6</i>	1x 37.0530
CISH (Amp) <input type="checkbox"/> <i>MDM2</i>	
RT-PCR : <input type="checkbox"/> <i>EWSR1-FLI1</i> <input type="checkbox"/> <i>EWSR1-ERG</i> <input type="checkbox"/> <i>EWSR1-WT1</i> <input type="checkbox"/> <i>SS18-SSX</i> <input type="checkbox"/> <i>PAX3/7-FOXO1</i> <input type="checkbox"/> <i>ETV6-NTRK3</i>	
<input type="checkbox"/> <i>BRAF-KIAA1549</i>	1x 37.0540

GENES REPARATEURS DE L'ADN statut de méthylation par HRM PCR	TARMED
<input type="checkbox"/> <i>MGMT</i> <input type="checkbox"/> <i>MLH1</i>	2x 37.0540

AGENT INFECTIEUX PAR PCR uniquement sur prélèvement fixé	TARMED
<input type="checkbox"/> Human Herpès Virus (HHV8)	1x 37.0540
<input type="checkbox"/> Human Papilloma Virus (HPV) - typisation	2x 37.0540
<input type="checkbox"/> Mycobactérie Tuberculosis Complex (IS6110)	1x 37.0540

MUTATIONS / InDel par séquençage Sanger (ordre alphabétique)	TARMED
<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> exons 11, 15	<input type="checkbox"/> <i>KRAS</i> exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> <i>CTNNB1</i> exon 3, 7, 8	<input type="checkbox"/> <i>MYD88</i> exon 5
<input type="checkbox"/> <i>EGFR</i> exons 18-21	<input type="checkbox"/> <i>NRAS</i> exons 2, 3, 4
<input type="checkbox"/> <i>GNAS</i> exons 8,9	<input type="checkbox"/> <i>PDGFRα</i> exons 12, 14, 18
<input type="checkbox"/> <i>HRAS</i> exons 2,3	<input type="checkbox"/> <i>PIK3CA</i> exons 10, 21
<input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> exon 4	<input type="checkbox"/> <i>POLE</i> exons 9, 13
<input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> exon 4	<input type="checkbox"/> <i>TERT</i> promoteur
<input type="checkbox"/> <i>KIT</i> exons 8, 9, 11, 13, 17	
	1x 37.0540/exon

ABERRATIONS CHROMOSOMIQUES par FISH/CISH	TARMED
<input type="checkbox"/> <i>ALK</i> (translocation)	<input type="checkbox"/> <i>HER2 (ERBB2)</i> (amplification)
<input type="checkbox"/> <i>ROS1</i> (translocation)	<input type="checkbox"/> <i>NMYC</i> (amplification)
<input type="checkbox"/> 1p36/19q13 (LOH)	<input type="checkbox"/> <i>MDM2</i> (amplification)
	1x 37.0530

Les analyses sans mention particulière font partie du domaine accrédité (ISO 15189). Les analyses non accréditées sont indiquées spécifiquement.